

1/5

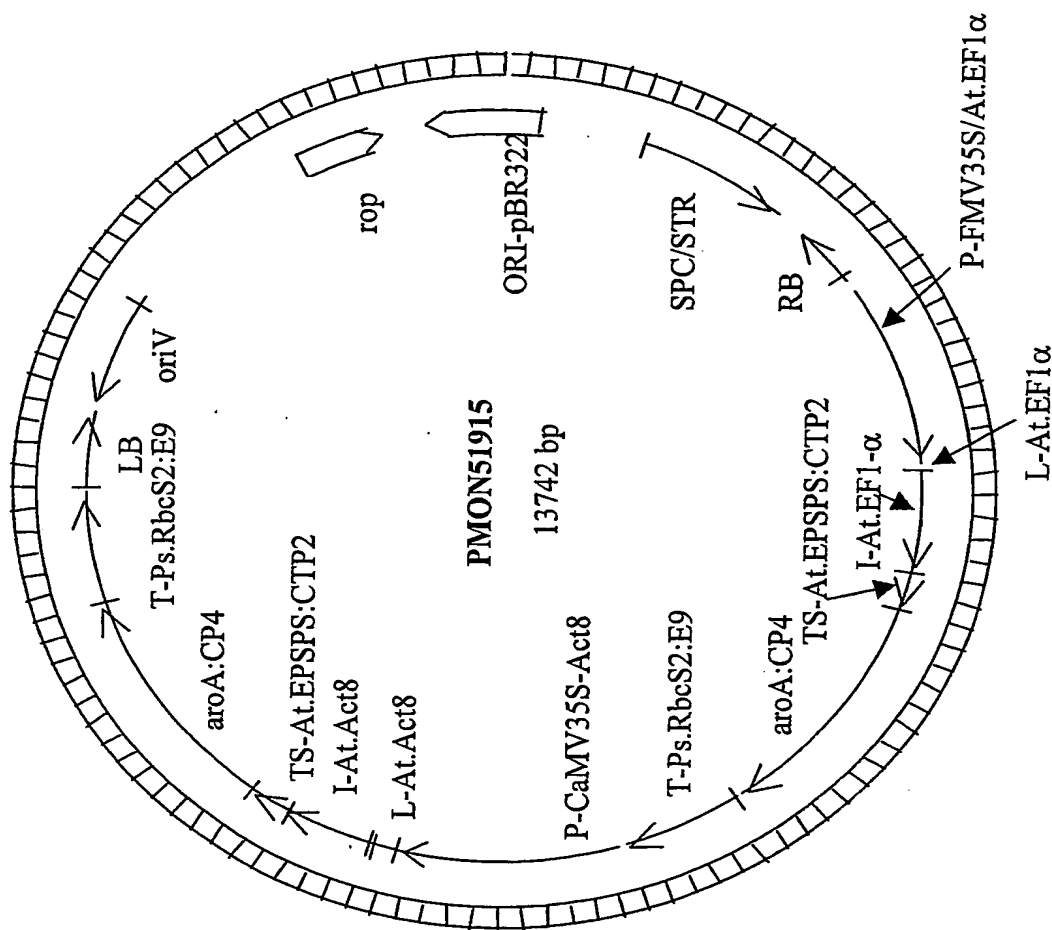


FIGURE 1

2/5

# MON88913

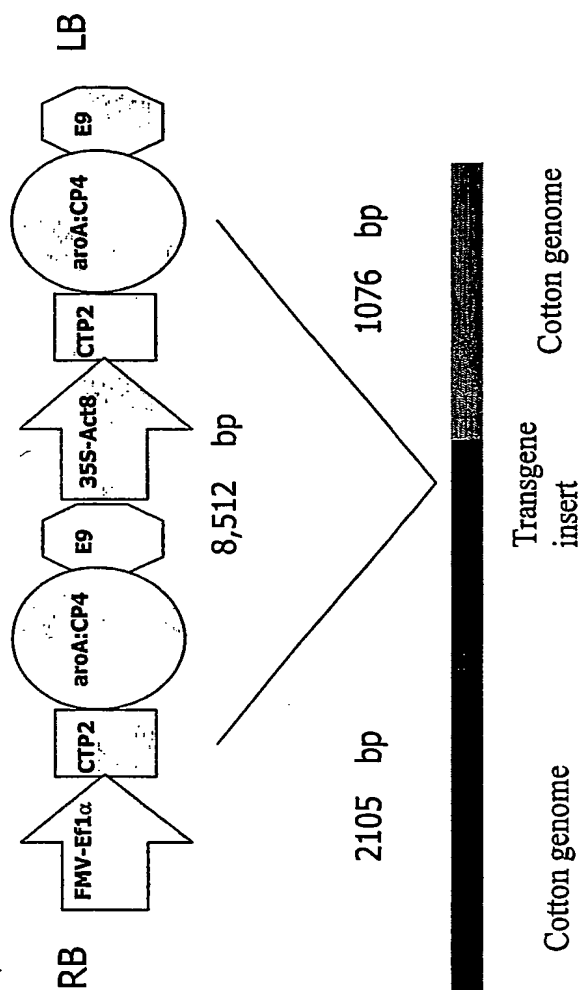


FIGURE 2

3/5

SEQ ID NO:1 5' DNA junction sequence:  
**ATTCAATGTA/GTCAAACACT**

SEQ ID NO:2 3' DNA junction sequence:  
**TTGAATATAT/ATTACAAAGC**

**FIGURE 3**

4/5

```

1  GCTTGGTACC GAGCTCGGAT CCACTAGTAA CGGCCGCCAG TGTGCTGGAA TTCGCCCTTT
61  TTTACTACGA TGTTAAGTCC TATTTTACAC AGTTTCTTTA AGACAGATTT GACCGCTCCT
121 ACGATACCTG GAGAAACGTT GGTGGAATGT CTCTTAGAAT ACAACAACAC GATGATCAAA
181 GCAGTAGCAC CTCTGTAGTG ATTAACGAAC AAGCGTTGTC TTTTCTATC ACCAAAACAT
241 TGGAAAACAT GGAGAGGAAA AGAGTAGAAT TTTGGAAAGA AAATAATCTT GGTATGAGAG
301 AGTGAGATTG AGCAAAAAAT TTTGAAGAGG TCTTAGCCTT TTATATGCGT TCAAAGTGGA
361 GGAATTTTGG AAATATCCAT GTATAATGAG ACAAATCTG CATTTAAAT GGCATTTGCG
421 GTCGCCGCG TCGTGCGAGT GCGCCCCAAC CCTGACGGGT TTGGACTTAC ACCCTCATAC
481 ACGCGAGGCA GGATTCCAAG TTTAGTCATT CAATCACTCT TAAAGTGAGC TTCAAGCTTA
541 GACATTACAA ATTAATTAATA ATAATATAAG ATAATTGCGC TAAATAAACA AACATTTTTT
601 TTGTGATCCT GAACGTAATC AACGAGGGTA TGATGGTTAT GATTACGGA AAGAGCGAGA
661 GAAGAGAACC GTCGCTCGAA GAGGATGATG ATTCATCCTA TTCATGCACG ACTGTCCAAC
721 TCCCCACCCA ATCAAATTC AAATTATGAC ATGAGAAGAA CATCATCCCA CGTGGTCTGT
781 GCTTCACGCC ACCATGTCCC ACGTGGGCTC CATTTTGGTG GGGCCCTTCC CCACCGCCCA
841 AGCTGATCCC GGGTTGGCCA TCCCTACTTT TAATTATCAG AGCCACCTCC CCAATCTGCA
901 AAACGACGGA AATGGAAAAC TATAATTTTC TTTTTTTTCA ACGTACTTAT AAAATATTTT
961 TCAAAAAAGT ATGAATAAAA TTGTGATATT GCTTGGCCTA AGAGGCCAAT CTTTTGCAAA
1021 TCTCGAAGTC GGGAGGCACA ATAAAACTT GGAAAGTTTT TTCAAGTGTC TGCTTTATAA
1081 AATTATTGAA ATGCATGTAT TCGTACTTGC CTTATTTATC GACAATTTAA ACATTATTAT
1141 TTCATGAAAA TGTCCTTCCA CCGATTTCAA TGACAAAACC AATAATTACT ACTTTTTATT
1201 TTCAATTATG TCACGGTTCA CATGTTTATT AGGGTTTAGG TTGAGGTTAA AACTTTCGAC
1261 TCTCTATTCG TAACGCTTAA AGATGTAGGG TTTAGGTTGA GGTTAAAACA ATCATGTAAT
1321 GTAAGGATAC CTGAAAAGCT GTCATTAGTG TAAGTGTTTA TTACTAGGGT TGTTTAAATT
1381 CATGTTGATG TCAAGCTTGG ATAACCCATT TTTACTAAAA AATAAATGAA GTCCCAAAGG
1441 GCATTGGGCA TCCTATCAAA GATGGGAAAT TTTTCAAAA TTTTAACCTA AAAAGAGGT
1501 GGAAAGTCTT AGTCCAAATA ATCAGCCACA TCAGAATTTG ATTCGTTTCT TTCAAGCAAA
1561 TTATACCTAT TGGCTGCAAT ATCTTTAAGT GGAATGGTCG GCCAACTTT TCCATATCAG
1621 CTTGATTTCAT CTCTAACTT GATTATTCTT TTTTATTAAT ATTAAATTC ACAACTTGAA
1681 CTTTAATTTT TTTAATTAAT TAAAAAATT GTCACCTTTT CAAGCTGAAA AAGAAAAAGA
1741 AACCTTAATT ATTATCACTA GTATTAATTT TCAAACTTG ATTTGTCCTA AATTTGAAAA
1801 GGGGTCTCCT TCAATTCATA TATGTAGTCA TGAAGATTAT AACTTAGCTG AAAATGGCCT
1861 CCATTATTTG GCTTATTCAA TCAAAAGTTT ACAAACCTAG TGCAAATTTA ATATGATAAT
1921 GTCTACAAGA ACCAAATACG AATTGAGTAA ATTTTTTTGG CTAAAATAAA TTACGAATTG
1981 ATGAATTATC ATTTTAAAAA GTTCTTTTTT ACCATTTCTT TTACTGAATT AAAAAAGGT
2041 TTTATTAATC ATATATATTA CAAATTACCC ATTAAGTAGC CAAATTACAA ATTTTAAATC
2101 AATGTAGTCA AACACTGATA GTTTAAACAT GACTCTCTTA AGGTAGCCAA AGCCCGGGCT
2161 TAATTAAGGC GCGCCGGCCA AGTCGGCCGC GGCCGCGTTA TCAAGCTTCT GCAGGTCCTG
2221 CTCGAGTGGA AGCTAATTCT CAGTCCAAAG CCTCAACAAG GTCAGGGTAC AGAGCTCCA
2281 AACCATTAGC CAAAAGCTAC AGGAGATCAA TGAAGAATCT TCAATCAAAG TAACTACTG
2341 TTCCAGCACA TGCAATCATG TCAGTAAGTT TCAGAAAAAG ACATCCACCG AAGACTTAAA
2401 GTTAGTGGGC ATCTTTGAAA GTAATCTTGT CAACATCGAG CAGCTGGCTT GTGGGGACCA
2461 GACAAAAAAG GAATGGTGCA GAATTGTTAG GCGCACCTAC CAAAAGCATC TTTGCCTTTA
2521 TTGCAAAGAT AAAGCAGATT CCTCTAGTAC AAGTGGGGAA CAAAATAACG TGGAAAAGAG
2581 CTGTCCTGAC AGCCCACTCA CTAATGCGTA TGACGAACGC AGTGACGACC ACAAAGAAT
2641 TAGCTTGAGC TCAGGATTTA GCAGCATTCC AGATTGGGTT CAATCAACAA GGTACGAGCC
2701 ATATCACTTT ATTCAAATTG GTATCGCCAA AACCAAGAAG GAACCCCAT CCTCAAAGGT
2761 TTGTAAGGAA GAATTCGATA TCAAGCTTGA TATCGGAAGT TTCTCTCTTG AGGGAGGTTG
2821 CTCGTGGAAT GGGACACATA TGGTTGTTAT AATAAACCAT TTCCATTGTC ATGAGATTTT

```

FIGURE 4

5/5

```
1 TGACCGAAGT TAATATGAGG AGTAAAACAC TTGTAGTTGT ACCATTATGC TTATTCACCTA
61 GGCAACAAAT ATATTTTCAG ACCTAGAAAA GCTGCAAATG TTAGTGAATA CAAGTATGTC
121 CTCTTGTTGTT TTAGACATTT ATGAACTTTC CTTTATGTAA TTTTCCAGAA TCCTTGTCAG
181 ATTCTAATCA TTGCTTTTATA ATTATAGTTA TACTCATGGA TTGTAGTTG AGTATGAAAA
241 TATTTTTTAA TGCATTTTAT GACTTGCCAA TTGATTGACA ACATGCATCA ATCGACCTGC
301 AGCCACTCGA GTGGAGGCCCT CATCTAAGCC CCCATTGGA CGTGAATGTA GACACGTCGA
361 AATAAAGATT TCCGAATTAG AATAATTTGT TTATTGCTTT CGCCTATAAA TACGACGGAT
421 CGTAATTTGT CGTTTTATCA AAATGTACTT TCATTTTATA ATAACGCTGC GGACATCTAC
481 ATTTTGAAT TGAAAAAATA TTGGTAATTA CTCTTCTTT TTCTCCATAT TGACCATCAT
541 ACTCATTGCT GATCCATGTA GATTCCCCG ACATGAAGCC ATTTACAATT GAATATATAT
601 TACAAAGCTA TTTGCTTATA ACATATGCGA AAAATTTTGT ACTATAATCA GGGGTAAATT
661 TAGGAGGGGG CTTGTAGGTC TCGCTTCTCT TAAAATGAAA AATTTTCTAT TTAGTTATTT
721 AAAATTTTAA AAGTAAAAATA TAAAAATTTT ATTTAATCCT TTAAAAATTA TAAAGATATA
781 GACTATTAAA ATGATGAAAT TACAATTTTA TTATCATAAA AATTATAATT TAATTTTCGAC
841 CCCTAACAAA ATTTTCTGAT TTGCCCCCTA ACTGTAATAT TTGTATAAAA ACATTTTCTT
901 TTTGCATTTA ATGATTTCTT TAATTCAGTC CAAGAAAGAA ATTTATTAAT TGCATATGCG
961 AAAGTTAGTC CTTGCCTAGT GATATTAAAG GAAAGAAACA TAAATCAAT AAATTAATTT
1021 TTAAAGCAAA TAGTAAAAAT AAGGAAAAAC TTTCTACGAT AGTCTATAAT TCAAAAAAAG
1081 AAATAATAAT CTTTAACCAT TGAATTTTAA AATAACATCA GAATAATCTA TTTATTTAAT
1141 TTAATAAATA ATAATAACAT ATATATTAAT ATTAAAAATTT TTATTGAGCT TAGTGTCACA
1201 AATCAATAAA AAATTTCTTA CAAAATAAAT TATATTATTT TGAGGGTGTT TTATTATTTT
1261 ATATATTTTA TACAGACATA TAGAAATATA AATACACATA ATAAAATTTG AATCCAAATT
1321 TTTAATTTTT AACATTTATA ATTTACTATT CAACCAAAT TTTATTTATT ATTTATATCA
1381 AATTTTTTATA AATATATTTA TCAGATAATG CGATTTTTTTT TACCTATATA TAGATGACAT
1441 AATCTACTTT AAATTAAGTC CTAAAAATAA TATATCATAC CAAAAAATT CTAAAATGA
1501 ATCTGATAAT ACTTAACCCC TTTTATAAAA CAATCTTAAC CCCTTATATA TTTTAATATT
1561 AATATCATT TAAATATAAA TCTATTGAGC ATATGTTTTA AACCAAGTAA TGTTGAGTGC
1621 GGTAGTAAAA CTCATTACAC ATTTTAAGTA GAACGTAGTT CGAACCTTGG AGAAG
```

FIGURE 5